|  |  |
| --- | --- |
| **Responsable**  | L. NOIRET |
|  |  |
| **Descriptif** | ***Niveau*** | ***Semestre d’enseignement*** | ***ECTS*** | ***Effectif maximal*** |
| M2 | S1 | 3 | 20 |
|  |
| **Modalités****pédagogiques** | ***Volume horaire Cours***  | ***Volume horaire TD*** | ***Volume horaire TP*** | ***Présentiel/Distanciel*** |
| 10 |  | 20 | Essentiellement distanciel avec points d’avancement |
|  |
| **Objectifs**  | Apprendre à analyser et à interpréter des données de séquençage.  |
|  |
| **Thèmes abordés** | Séquençage, programmation, bioinformatique  |
|  |
| **Compétences acquises à l’issue de l’UE (concepts, méthodologie et outils)** | * Introduction à l’analyse de données de séquençage de cellule unique
* Analyse multidimensionnelle (PCA, UMAP, KNN…)
* Compétences transversales : autonomie (appliquer une nouvelle méthode trouvée dans la littérature), analyse critique (évaluation rapports), communication (présentation et rédaction rapport)
*
 |
|  |
| **Prérequis** | Connaissances en Python (pandas, matplotlib), statistiques descriptives multidimensionnelles |
|  |
| **Modalités****d’évaluation/100** | ***Ecrit*** | ***Oral*** | ***CC*** | ***Autre*** |
|  |  |  | Rapport |
|  |
| **Langues utilisées** | ***Dans les cours, TD, TP*** | ***Dans les documents, supports*** |
| FR, EN | EN |
|  |
| **Localisation** | Jussieu  |